

【生醫資訊應用軟體】系列課程 IV

生物資訊軟體 DNASTAR Lasergene 與 Golden Helix 於 Sanger 定序、次世代定序及生物晶片資料分析之應用

日期：103 年 5 月 28 日 (星期三) 10:00-12:00

地點：臺北醫學大學 醫學綜合大樓後棟 15 樓第二會議室

主講人：朱柏穎、陳彥銘 生物資訊專員

請至學術活動網報名

網址：

<http://event.tmu.edu.tw/actnews/content.php?Sn=1302>

【課程時間及地點】

課程名稱	講師	時間	地點
【生醫資訊應用軟體】系列課程 IV：生物資訊軟體			
DNASTAR Lasergene 與 Golden Helix 於 Sanger 定序、次世代定序及生物晶片資料分析之應用	朱柏穎、陳彥銘 生物資訊專員	103/05/28(三) 10:00~12:00	醫學綜合大樓後棟 15 樓第二會議室

【講員介紹】

朱柏穎 陳彥銘 生物資訊專員

金萬林企業股份有限公司

【課程簡介】

本次課程包含兩套軟體的使用教學：DNASTAR Lasergene 與 Golden Helix SVS。DNASTAR Lasergene 可以進行 Microarray、Sanger 定序、所有主流的次世代定序資料的分析，並可以進行大分子 3D 結構預測、蛋白質序列分析等功能，是涵蓋基因體學由上游到下游的有效分析工具。

Golden Helix SNP & Variation Suite (SVS) 軟體則提供生物學家及研究人員一套使用容易且功能強大的整合式分析工具。SVS 包含了許多類型的分析流程及工具，如單核?酸多態性 (Single-nucleotide polymorphism, SNP)、拷貝數變異 (copy number variation, CNV)、次世代定序 (Next-Generation Sequence, NGS, 包含 DNA 與 RNA level)，並支援家族關聯性資料分析 (family-based association analysis)，可進行資料的管理、分析，以及視覺化呈現。使用者不需要會編寫程式，即可分析手上的實驗資料。

本次演講將介紹 DNASTAR Lasergene 與 Golden Helix SVS 軟體，接著針

對兩軟體於 Sanger 定序、次世代定序以及生物晶片資料的分析進行實際操作演練，期望能協助各位參加者進行分子生物學資料的分析。

【課程注意事項】

通過本課程得認列教育訓練時數。

【課程內容】

Time	Content	Speaker
09:30~10:00	Registration	
10:00-10:30	DNASTAR Lasergene 功能介紹	朱柏穎、陳彥銘 生物資訊 專員
10:30-10:50	DNASTAR Lasergene 操作演練	
10:50-11:00	問題與討論	
11:00-11:10	休息	
11:10-11:30	Golden helix SVS 功能介紹	
11:30-11:50	Golden helix SVS 操作演練	
11:50-12:00	問題與討論	