

10X Genomics 技術新知與應用研討會

台北醫學大學

時間：3/15(三) 14:15-16:20

地點：醫學綜合大樓前棟 4F 誠樸廳

2017 年最受關注的 NGS 技術應用—10X Genomics

定序建庫方式的全面革新，結合目前市佔率最高的 illumina 技術平台。

在全基因體定序的應用，突破以往短片段定序在分析上的缺點，同時保留短片段序列的高正確性，顯著地提升組裝效果與覆蓋率，獲知以往難以解開的染色體變異資訊。

應用在單細胞定序更是大大降低操作的困難程度，有效率深入解析單一細胞內數千個基因表現量，揭露以往多細胞平均下所隱藏的細胞次分群資訊。

本次研討會分別邀請來自 10X Genomics 及全球最大定序服務供應商諾禾致源原廠兩位專家，帶來技術原理及應用的最新資訊分享。

議程

14:15-14:30 報到

研討會線上報名系統

14:30-14:40 Host introduction



14:40-15:30

New Development of 10X Single Cell & RNA Sequencing

10X Genomics 全球銷售副總—Jonathan Schimmel

15:30-16:20

The strategy of Genome research with the Development of High-throughput Sequencing

Novogene 諾禾致源技術總監—田仕林